

Riassunto

Scopo. Questo studio si propone di identificare, mediante l'analisi dell'espressione di miRNA, nuovi marcatori biomolecolari nel linfoma diffuso a grandi cellule B (DLBCL) HCV-correlato.

Metodi. Il profilo d'espressione di miRNA è stato analizzato in 37 pazienti affetti da DLBCL. Come controllo sono stati utilizzati i centri germinativi ottenuti, mediante microdissezione laser, da 60 linfonodi reattivi. I casi e i controlli erano equamente distribuiti in base all'infezione da HCV. Di ciascun paziente erano note le caratteristiche clinico-patologiche e il decorso clinico.

Risultati. I DLBCL HCV-correlati sono caratterizzati da una alterata espressione di 52 miRNA. La riduzione dell'espressione del miR-138-5p e l'aumentata espressione di miR-147a, miR-147b e miR-511-5p sono dei fattori prognostici positivi per i pazienti con DLBCL HCV-associato.

Conclusioni. Questi dati rivelano caratteristiche biomolecolari specifiche dei DLBCL HCV-associato. Tali differenze potrebbero essere potenzialmente utili ai fini prognostici e terapeutici.

Disclaimer. BMJ Publishing Group Limited takes no responsibility for the accuracy of the translation from the published English original and is not liable for any errors which may occur.